



Date de Prélèvement : ..... / ..... / ..... Heure de prélèvement : ..... : .....

NOM de JEUNE FILLE : .....

PRENOM Complet du Patient : .....

SEXE : F  M  DATE de NAISSANCE : ..... / ..... / .....

NOM (Marital) Complet du Patient : .....

Centre demandeur : ..... Service : .....

Médecin prescripteur : .....

Etiquette patient

OPPOSITION à LA CONSERVATION :  oui  non

La réponse à cette question est OBLIGATOIRE. Le document initial est à conserver dans le dossier patient au niveau du service clinique.

RENSEIGNEMENTS CLINIQUES OBLIGATOIRES : Diagnostic :  Diagnostic avéré  Suspicion
 LAL  LAM  SMD  LMMC  LMC  TE  PV  Myélofibrose primitive  
 LLC  LNH folliculaire  LNH Manteau  Autres (préciser SVP) :

 STADE DE LA MALADIE :  Diagnostic  Suivi :  Ré mission  
 Evolution/Progression  
 Rechute

Informations cliniques éventuelles

CARYOTYPE (si connu) :

PRELEVEMENT (stockage à 4°C) :  Sang  Moelle  Autre (préciser) :

ANALYSE(S) DEMANDEE(S) :

 Congélation seule (conservation pour analyse moléculaire ultérieure)**LMC**

- 
- Recherche du réarrangement BCR-ABL1\* : Diagnostic
- 
- 
- Quantification du transcrite BCR-ABL1 : Suivi
- 
- 
- Mutations du domaine tyrosine kinase d'ABL1

\* joindre impérativement le résultat de la NFS

**LAM  
Diagnostic****Mutations géniques**

- 
- FLT3 (FLT3-ITD et -TKD)
- 
- NPM1
- 
- CEBPA
- 
- 
- MLL (MLL-PTD)
- 
- IDH1/IDH2
- 
- WT1
- 
- KIT

**Transcrits de fusion**

- 
- AML1-ETO (RUNX1-RUNX1T1) / t(8;21)
- 
- 
- CBFβ-MYH11 / inv(16)/t(16;16)
- 
- 
- AF9-MLL (MLLT3-KMT2A) / t(9;11)
- 
- 
- DEK-NUP214 / t(6;9)

**Surexpression**

- 
- WT1
- 
- EVI1

**Suivi de la maladie résiduelle**

- 
- Expression de WT1
- 
- Mutations de NPM1 (type A/B/D)
- 
- 
- AML1-ETO
- 
- CBFβ-MYH11
- 
- AF9-MLL

**LAM / SMD / LMMC / autres hémopathies**

Mutations géniques par séquençage haut-débit (NGS) :

 **Panel de 36 gènes** : ASXL1, BCOR, BCORL1, CALR, CBL, CSF3R, DNMT3A, ETV6, EZH2, FLT3, GATA2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NIPBL, NPM1, NRAS, PHF6, PTPN11, RAD21, RIT1, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2.

 **Panel de gènes de prédisposition familiale aux hémopathies myéloïdes\*** : ANKRD26, CEBPA, DD41, ETV6, GATA2, RUNX1, SRP72, TERC, TERT, TP53.

\* joindre impérativement le consentement adapté

**SMP non LMC**
 Bilan mutationnel: JAK2V617F puis JAK2 exon12 ou CALR/MPL en fonction des renseignements cliniques\*

Recherche isolée

- 
- JAK2 V617F\*
- 
- JAK2 exon12\*
- 
- CALR\*
- 
- MPL W515\*

- 
- Mutations de KIT (mutation D816V) \*joindre impérativement le résultat de la NFS
- 
- 
- Transcrit FIP1L1-PDGFR4

**LAL  
Diagnostic**
 **Marqueurs de clonalité LAL-B et T**  
 Réarrangements des gènes des Ig et TCR
**Si LAL-B**

- 
- Transcrits de fusion**
- 
- BCR-ABL1
- 
- MLL-AF4 (KMT2A-AFF1)
- 
- ETV6-RUNX1 (TEL-AML1)
- 
- TCF3-PBX1 (E2A-PBX1)

- 
- Délétions d'IKZF1**

**Si LAL-T**

- 
- Transcrits de fusion**
- 
- BCR-ABL1, SIL-TAL
- 
- NUP214-ABL1

- 
- Surexpression**
- 
- HOX11, HOX11L2, WT1

- 
- Panel NGS LAL-T :**
- 
- NOTCH1, FBXW7, PTEN, NRAS, KRAS, TP53
- 
- Nous consulter

**Suivi de la maladie résiduelle**

- 
- Ig / TCR sur ADN
- 
- Autres cibles sur demande justifiée
- 
- 
- BCR-ABL1 sur ARN

**Hémopathies lymphoïdes chroniques**

- 
- Clonalité B
- 
- Clonalité T
- 
- 
- Statut mutationnel des IgVH dans les LLC
- 
- 
- Surexpression de BCL1 / t(11;14)
- 
- 
- Réarrangement BCL2-JH / t(14;18)
- 
- 
- Réarrangement NPM-ALK / t(2;5)

Mutations  MYD88 L265P  CD79A et B  BRAF6 V600E
 **Panel NGS syndromes lymphoprolifératifs (29 gènes) :**  
 Nous consulter / Diagnostic à préciser impérativement  
 TP53, CXCR4, MYD88, EZH2, CD79A, CD79B, BRAF...